

Bonjour à tous,

Le GDR3E et le réseau REacTION souhaitent organiser conjointement d'ici la fin de l'année 2022 une Ecole Thématique intitulée **UNICHROMARNA** autour de l'utilisation de technologies permettant d'effectuer le profilage de chromatine ouverte et des petits ARN non-codants sur une variété d'organismes étudiés par les membres des deux réseaux. Celle-ci sera en grande partie financée par le CNRS et INRAE. Les budgets prévisionnels devraient permettre de couvrir les coûts de logement et de repas, les consommables de Biologie Moléculaire et une partie des coûts de séquençage. Les participants non-CNRS devront s'acquitter de frais d'inscriptions (estimés inférieurs ou égaux à 500€). Les frais de transport resteront à la charge de tous les participants. Cette formation aura lieu dans les locaux de l'UR INRAE MyCSA de Bordeaux (site de la grande Ferrade) ainsi qu'à la plateforme Génome-Transcriptome de Bordeaux (site Cestas-Pierroton). Elle sera animée par Séverine Chambeyron, Christoph Grunau, Nicolas Nègre (GDR3E) et Nadia Ponts, Isabelle Fudal, Mélanie Jubault et Gaël Le Trionnaire (REacTION). La formation devrait se dérouler du **lundi 28 novembre au jeudi 1^{er} décembre 2022**.

Le programme prévisionnel est le suivant :

Jour 1 : Préparation des échantillons d'ATAC et des banques correspondantes – Séquençage sur site

Jour 2 : Extractions des petits ARNs et préparation des banques de séquençage (séquençage effectué a posteriori par la plateforme, suivi de l'envoi des séquences aux participants après l'école thématique)

Jour 3 : Formation théorique sur « L'étude des profils de chromatine ouverte par ATAC-seq à l'échelle tissulaire mais aussi en contexte single-cell » et « Les petits ARNs non-codants : particularités structurales et fonctionnelles des différentes catégories existantes chez les organismes animaux et végétaux »

Jour 4 : Analyse bioinformatique sous Galaxy des données d'ATAC-seq générées lors de la formation

Cette formation doit permettre a minima (en fonction du budget) aux participants de repartir avec des données de séquençage d'ATAC-seq et des banques de sRNA-seq prêtes à être séquencées. La possibilité de financer le séquençage de ces derniers pourra être envisagée en fonction du budget final. Les prérequis quant à la préparation et au conditionnement des échantillons en amont de l'école thématique seront précisés ultérieurement.

Compte-tenu des capacités limitées d'accueil des laboratoires de MyCSA et des contraintes budgétaires, cette formation est limitée à **10 binômes** soit un **maximum de 20 participants**. Nous souhaitons également préciser qu'à ce stade, il s'agit d'une **manifestation d'intérêt afin d'évaluer le nombre de participants et organismes potentiels**. Par la suite, le programme sera précisé et un site internet dédié sera créé pour les inscriptions effectives. Donc, afin d'anticiper au mieux l'organisation de cette formation, les commandes de matériels et kit et les calculs des coûts de séquençage, nous aimerions avoir très rapidement une idée du nombre de personnes potentiellement intéressées par cette Ecole Thématique. Pour ce faire, nous vous demandons de manifester votre intérêt pour cette formation en envoyant un mail à gael.lettrionnaire@inrae.fr pour les membres du réseau REacTION et à severine.chambeyron@igh.cnrs.fr pour les membres du GDR3E. Afin de pouvoir avancer le plus rapidement possible, nous vous demandons de vous manifester pour le **20 juin au plus tard**.

N'hésitez pas venir vers nous pour des questions complémentaires.

Dans l'attente de votre retour rapide, nous vous souhaitons une bonne journée,

Les animateurs du GDR3E et du Réseau REacTION